

Responsable du Service Bioinformatique – H/F

Société : **GENOSCREEN**

Secteur : Biotechnologies/Génétique

Lieu : 59 – Lille

www.genoscreen.fr

Activité de la société

Société de Services et d'Innovation en génomique et en bioinformatique - Nous proposons une large palette de prestations de services en biologie moléculaire pour divers secteurs d'activité (Santé, Environnement, Agriculture, Agroalimentaire). Nous développons également et commercialisons des solutions logicielles associées à des kits de diagnostic pour le secteur de la Santé.

Responsabilités du poste

Missions générales

- Développe les activités d'une plateforme bioinformatique qui propose une offre complète de services (Calculs scientifiques, analyses de données, ingénierie logicielle, formation) et participe activement aux activités de R&D de la Société.
- Assure la responsabilité des activités du Service et le management de 4 ingénieurs bio-informatiques.
- Communique activement et interagit avec les services opérationnels et fonctionnels de la société pour garantir une offre de services des plus compétitives dans le respect des Bonnes Pratiques de Laboratoire (B P L).

Missions opérationnelles

- Développe l'offre de services et d'expertise de la Société en bio-informatique et en biostatistique.
- Répond aux demandes et attentes des clients, en étroite concertation avec les commerciaux et les responsables de plateforme.
- Gère la réalisation et supervise le rendu des travaux de bioinformatique et de biostatistique.
- Conçoit des formations en bio-informatique et en biostatistique et participe à leur réalisation.
- Participe à des manifestations, scientifiques ou commerciales, pour promouvoir les services et l'expertise de la Société.
- Assure le support scientifique clientèle, en coordination avec les services de Production, de R&D et commerciaux de la Société.
- Inspire des travaux de D&D visant à développer des solutions analytiques performantes ou des applications innovantes et intervient dans leur réalisation.

Exemple de développements :

- Mise au point et/ou validation d'outils et de solutions logicielles d'analyse de données de séquençage (Annotation, Assemblage, Expression différentielle, . .).
- Développement de pipelines d'analyse de données massives de séquençage, notamment en métagénomique et en méta-transcriptomique.
- Développement d'interfaces utilisateurs, à destination des services de production de la Société ou à destination des clients.
- Assure une veille scientifique appropriée



Profil recherché :

Formation :

- Titulaire d'un Doctorat ou d'un Diplôme d'Ingénieur en Bioinformatique,

Connaissances :

- Vous avez une excellente connaissance d'un langage de script (Python...)
- Vous maîtrisez les principaux logiciels d'analyse biomoléculaire et les logiciels d'analyse bioinformatique
- Vous connaissez les dernières technologies de séquençage de masse (ILLUMINA, PacBio, Nanopore...)
- La connaissance d'algorithmes d'auto-apprentissage (IA) serait un plus.
- Des connaissances en biostatistique seront appréciées.

Expérience :

Vous présentez une expérience d'au moins 5 ans en analyses de données de génomique et de métagénomique et une expérience interdisciplinaire d'au moins 3 ans.

Autres compétences recherchées :

- Savoir travailler en interaction avec différents services (Production / R&D / Commercial) ainsi qu'avec des partenaires académiques et industriels, tant en France qu'à l'étranger.
- Poste requérant des compétences complémentaires en gestion et en management d'équipe.
- Bilinguisme français / anglais (indispensable)

Type de contrat

CDI après période d'essai

Rémunération

Selon profil et expérience

Contact :

Adresser mail de candidature, prétentions et CV détaillé à :

contact@genoscreen.fr Tél : 03 62 26 37 77

Réf. de l'offre : **BI 290120**

