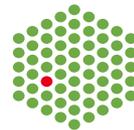


## FORMATION EN BIOINFORMATIQUE

ANNOTATION DE SÉQUENCES (RÉFÉRENCE: GFBADS)



### LIEU

GENOSCREEN (Lille – 59)

### DURÉE

½ journée

### PRIX

Session inter-entreprises : 500 € HT/Inscrit

### DATES

Session inter-entreprises : [cliquez-ici](#)

### MODALITÉS

- Formations alternant des exposés théoriques et des travaux pratiques. Des exemples concrets sont présentés.
- Evaluation individuelle de l'acquisition des connaissances.
- Remise des supports de formation.

### SESSION PERSONNALISÉE

Nous proposons aussi des formations intra-entreprise dont le contenu et la durée peuvent être adaptés à vos objectifs.

Nous consulter pour plus d'informations : [cliquez-ici](#)

### ▶ TYPE

60 % théorie / 40 % pratique

### ▶ PRÉREQUIS

Familiarité avec les technologies de séquençage haut débit (NGS), maîtrise de l'assemblage de séquences et utilisation de la ligne de commande sous LINUX.

### ▶ MATÉRIEL

Prévoir un ordinateur sous Linux, Mac OS ou Windows avec MobaXterm de pré-installé (logiciel gratuit).

### ▶ PARTICIPANTS

Docteurs, ingénieurs, chercheurs souhaitant découvrir et acquérir de solides bases en annotation de séquences.

### ▶ OBJECTIFS

À l'issue de la formation, le candidat sera en mesure d'établir une stratégie d'annotation de ses séquences jusqu'à la voie métabolique, mais également d'exploiter les ressources publiques disponibles online comme EggNOG, ainsi que le logiciel PROKKA.

### ▶ PROGRAMME

Introduction à l'annotation de séquences, son utilité, ses stratégies et méthodologie générale. Annotation fonctionnelle de génome et transcriptomes procaryotes. Annotation structurale par recherche de motifs, patterns et classification en familles protéiques (PFAM, Protein Families). Initiation à PROKKA: logiciel d'annotation des organismes procaryotes automatisé. Présentation de la base de donnée des voies métaboliques (KEGG, Kyoto Encyclopedia of Genes and Genomes). Description des définitions standardisées avec la Gene Ontology (GO). EggNOG: bases de données des groupes orthologues et d'annotation fonctionnelle en libre accès. Présentation du format standard d'annotation GFF.

Possibilité de venir avec ses propres données/séquences (1).

(1) Données issues de technologies Illumina.

GENOSCREEN est un organisme de formation enregistré au n°31 59 06657 59 (DRTEFP Lille, France)

## CONTACT

1 rue du Professeur Calmette  
59000 Lille - FRANCE

commercial.dept@genoscreen.com  
+33(0) 362 263 776

